

ESTIMAÇÃO DE PARÂMETROS GENÉTICOS PARA DIFERENTES NÍVEIS DE SIGNIFICÂNCIA NA SELEÇÃO ASSISTIDA POR MARCADORES

Marcelo JANGARELLI¹
Ricardo Frederico EUCLYDES²
Paulo Roberto CECON³

- RESUMO: Objetivou-se avaliar a fixação de alelos favoráveis, alelos desfavoráveis e de marcadores moleculares, assim como seu impacto sobre o coeficiente de endogamia e o limite de seleção, ao utilizar diferentes níveis de significância em populações submetidas a seleção assistida por marcadores moleculares, durante 20 gerações consecutivas. Utilizou-se o programa Genesys (*Genetic System*) para a simulação do genoma e das populações base e inicial. A característica quantitativa sob seleção apresentava herdabilidade 0,10. Os níveis de significância adotados foram de 1%, 5%, 10% e 20%, totalizando quatro processos de seleção a partir da população inicial disponível. Os processos seletivos que adotaram níveis de menor magnitude (1% e 5%) conduziram a maiores taxas de fixação alélica e de marcadores genéticos devido a sua maior precisão na detecção de QTL (*Quantitative Trait Loci*), resultando, consequentemente, em níveis endogâmicos e limites de seleção maiores.
- PALAVRAS-CHAVE: Fixação de alelos; marcadores moleculares; níveis de significância; QTL.

1 Instituto de Ciências Exatas, Departamento de Matemática, Universidade Federal Rural do Rio de Janeiro – UFRRJ, CEP: 23890-000, Seropédica, Rio de Janeiro – RJ, Brasil. E-mail: gmejanga@hotmail.com / jangarelli@ufrj.br

2 Centro de Ciências Agrárias, Departamento de Zootecnia, Universidade Federal de Viçosa – UFV, CEP: 36570-000, Viçosa, Minas Gerais – MG, Brasil. E-mail: rbaja@ufv.br

3 Centro de Ciências Exatas e Tecnológicas, Departamento de Estatística, Universidade Federal de Viçosa – UFV, CEP: 36570-000, Viçosa, Minas Gerais – MG, Brasil. E-mail: cecon@dpi.ufv.br